

FE DE ERRATAS

En el artículo:

“Elevada frecuencia de dislipidemia en pacientes infectados por VIH en un hospital público peruano” publicado en el número 2, vol. 34 año 2017, p. 239-44 existen cuatro “fe de erratas”, los que se detallan a continuación:

Página 239:

En RESUMEN

Dice:

Los esquemas de TARGA que incluían inhibidores de la proteasa (IP) (OR 1.22; IC95% 1,11-1,34) y la edad mayor de 40 años (OR 1.17; IC95% 1,06-1,29) mostraron asociación con dislipidemia, ajustado por carga viral, nivel de células CD4 y sexo.

Debe decir:

Los esquemas de TARGA que incluían inhibidores de la proteasa (IP) (RP 1.22; IC95% 1,11-1,34) y la edad mayor de 40 años (RP 1.17; IC95% 1,06-1,29) mostraron asociación con dislipidemia, ajustado por carga viral, nivel de células CD4 y sexo.

Página 239

En ABSTRACT

Dice:

HAART regimens which include protease inhibitors (PI) (odds ratio [OR]: 1.22; confidence interval at 95% [CI 95%]: 1.11-1.33) and to be older than 40 years (OR: 1.17; CI 95%: 1.05-

1.28) were associated with dyslipidemia, adjusted by viral load, CD4 lymphocyte level and gender.

Debe decir:

HAART regimens which include protease inhibitors (PI) (prevalence ratio [PR]: 1.22; confidence interval at 95% [CI 95%]: 1.11-1.33) and to be older than 40 years (PR: 1.17; CI 95%: 1.05-1.28) were associated with dyslipidemia, adjusted by viral load, CD4 lymphocyte level and gender.

Página 240:

En MATERIALES Y MÉTODOS, quinto párrafo

Dice:

En el modelo final se incluyeron las variables que fueron significativas luego del análisis de modelos anidados y variables confusoras. Se reportó el odds ratio (OR), con un valor de $p < 0,05$ denotando una asociación estadística significativa. Los análisis estadísticos se realizaron con el software STATA versión 14.0 (College Station, Texas).

Debe decir:

En el modelo final se incluyeron las variables que fueron significativas luego del análisis de modelos anidados y variables confusoras. Se reportó razones de prevalencia (RP), con un valor de $p < 0,05$ denotando una asociación estadística significativa. Los análisis estadísticos se realizaron con el software STATA versión 14.0 (College Station, Texas).

Página 242:

En RESULTADOS, Tabla 3

Dice:

Tabla 3. Factores asociados a dislipidemia en análisis de regresión múltiple (n=538)

Variables	Análisis bivariado		Regresión múltiple	
	OR	IC 95%	OR	IC 95%
Tipo de esquema TARGA				
2INTR + IP	1,22	1,11 - 1,34*	1,22	1,11 - 1,33*
2INTR + INNTR	Referencia		Referencia	
Edad \geq 40 años	1,17	1,06 - 1,29*	1,16	1,05 - 1,28*
Sexo masculino	0,96	0,86 - 1,07	0,94	0,85 - 1,05
Tiempo de infección por VIH (años)	1,00	0,98 - 1,01	--	--
Tiempo en TARGA (años)	1,00	0,98 - 1,02	--	--
Tiempo en esquema actual (años)	0,99	0,97 - 1,01	--	--
Carga viral \geq 400 copias/mL	0,74	0,54 - 1,01	0,77	0,56 - 1,04
Linfocitos CD4 $<$ 200 cel/mm ³	0,90	0,76 - 1,06	0,93	0,78 - 1,11

* $p < 0,05$. OR: odds ratio; IC 95%: intervalo de confianza al 95%; TARGA: terapia antirretroviral de gran actividad; 2INTR: dos inhibidores nucleósidos de la transcriptasa reversa; INNTR: inhibidor no nucleósido de la transcriptasa reversa; IP: inhibidor de la proteasa.

Debe decir:**Tabla 3.** Factores asociados a dislipidemia en análisis de regresión múltiple (n=538)

Variables	Análisis bivariado		Regresión múltiple	
	RP	IC 95%	RP	IC 95%
Tipo de esquema TARGA				
2INTR + IP	1,22	1,11 - 1,34*	1,22	1,11 - 1,33*
2INTR + INNTR	Referencia		Referencia	
Edad ≥ 40 años	1,17	1,06 - 1,29*	1,16	1,05 - 1,28*
Sexo masculino	0,96	0,86 - 1,07	0,94	0,85 - 1,05
Tiempo de infección por VIH (años)	1,00	0,98 - 1,01	--	--
Tiempo en TARGA (años)	1,00	0,98 - 1,02	--	--
Tiempo en esquema actual (años)	0,99	0,97 - 1,01	--	--
Carga viral ≥ 400 copias/mL	0,74	0,54 - 1,01	0,77	0,56 - 1,04
Linfocitos CD4 <200 cel/mm ³	0,90	0,76 - 1,06	0,93	0,78 - 1,11

*p<0,05. RP: razones de prevalencia; IC 95%: intervalo de confianza al 95%; TARGA: terapia antirretroviral de gran actividad; 2INTR: dos inhibidores nucleósidos de la transcriptasa reversa; INNTR: inhibidor no nucleósido de la transcriptasa reversa; IP: inhibidor de la proteasa.